

## بررسی توالی پروتئین بازدارنده پلی گالاکتوروناز در محلب و انطباق آن با توالی‌های همولوگ

راحله قنبری محب سراج<sup>۱\*</sup> و زهرا خزائی<sup>۲</sup>  
<sup>۱</sup>گروه باغبانی، دانشگاه محقق اردبیلی، اردبیل  
<sup>۲</sup>نویسنده مسئول: [r.ghanbary6565@gmail.com](mailto:r.ghanbary6565@gmail.com)

### چکیده

در پژوهش حاضر، پروتئین بازدارنده پلی گالاکتوروناز در رقم محلب مورد بررسی قرار گرفت و همولوگ‌های آن از طریق BLAST تعیین گردید و انطباق توالی چندتایی بر روی آن‌ها انجام گرفت سپس درخت تکامل ژنتیکی برای همولوگ‌های موردنظر رسم گردید. با توجه به درخت فیلوژنتیکی، رقم‌های مورد بررسی دارای اجداد یکسانی بوده و در طی گذر زمان از یکدیگر جدا شده‌اند. در نهایت ساختار دوم و سوم پروتئین پیش‌بینی گردید و ترکیبات اسیدآمینة این پروتئین مشخص شد. **کلمات کلیدی:** پروتئین بازدارنده پلی گالاکتوروناز، محلب، توالی همولوگ، ساختار دوم و سوم پروتئین.